

SEQUENCE LISTING

<110> Berzofsky, Jay A.
 Okazaki, Takahiro

<120> Enhanced HIV-1 Vaccines and Methods for Their Use

<130> 015280-481100US

<140> US 10/551,405
 <141> 2005-09-29

<150> US 60/459,507
 <151> 2003-03-31

<150> WO PCT/US04/09617
 <151> 2004-03-29

<160> 23

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
 immunostimulating peptide

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (1)
 <223> Xaa = any hydrophobic amino acid

<400> 1
 Xaa Leu Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Val
 1 5

<210> 2
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
 immunostimulating peptide, RT-2L9V, 2L9V

<400> 2
 Val Leu Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Val
 1 5

<210> 3
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
 immunostimulating peptide, RT-1Y2L9V

<400> 3

Tyr Leu Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Val
 1 5

<210> 4

<211> 409

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
 immunostimulating peptide

<220>

<221> MOD_RES

<222> (1)..(200)

<223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

<220>

<221> MOD_RES

<222> (201)

<223> Xaa = any hydrophobic amino acid

<220>

<221> MOD_RES

<222> (210)..(409)

<223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

<400> 4

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 1 5 10 15

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 20 25 30

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 35 40 45

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 50 55 60

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 65 70 75 80

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 85 90 95

Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			100					105					110		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			115					120					125		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			130					135					140		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
145								150				155			160
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				165						170					175
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				180						185				190	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Leu	Tyr	Gln	Tyr	Met	Asp	Asp
				195					200			205			
Val	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
	210							215					220		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
225								230				235			240
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				245						250				255	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				260						265				270	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				275						280				285	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				290						295			300		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
305								310				315			320
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				325						330				335	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				340						345				350	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				355						360				365	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				370						375				380	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
385								390				395			400
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa							
				405											

<210> 5
 <211> 409
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
 immunostimulating peptide

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (1)..(200)
 <223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (210)..(409)
 <223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

<400> 5
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 1 5 10 15
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 20 25 30
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 35 40 45
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 50 55 60
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 65 70 75 80
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 85 90 95
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 100 105 110
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 115 120 125
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 130 135 140
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 145 150 155 160
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 165 170 175
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 180 185 190
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Val Leu Tyr Gln Tyr Met Asp Asp
 195 200 205

```

Val Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 210                               215                               220

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
225                               230                               235                               240

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                245                               250                               255

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                260                               265                               270

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                275                               280                               285

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                290                               295                               300

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
305                               310                               315                               320

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                325                               330                               335

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                340                               345                               350

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                355                               360                               365

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                370                               375                               380

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
385                               390                               395                               400

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
                405

```

```

<210> 6
<211> 409
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

```

```

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:variant of
      synthetic sequence motif derived from HIV-1
      reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
      immunostimulating peptide

```

```

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(200)
<223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

```

```

<220>
<221> MOD_RES
<222> (210)..(409)
<223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

```

<400> 6

Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
1				5					10					15	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			20					25					30		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
		35					40					45			
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
	50					55					60				
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
65					70					75					80
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				85					90					95	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			100					105					110		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
		115					120					125			
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
	130					135					140				
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
145					150					155					160
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				165					170					175	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			180						185				190		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Tyr	Leu	Tyr	Gln	Tyr	Met	Asp	Asp
		195					200					205			
Val	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
210						215						220			
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
225					230					235					240
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
				245					250					255	
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
			260					265					270		
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
		275					280					285			
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
	290					295					300				
Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
305					310					315					320

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
325 330 335
Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
340 345 350
Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
355 360 365
Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
370 375 380
Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
385 390 395 400
Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
405

<210> 7
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:HIV-1 reverse
transcriptase (RT) catalytic site region sequence
motif, wild-type RT (179-187), RT-WT

<400> 7
Val Ile Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Leu
1 5

<210> 8
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:variant of
synthetic sequence motif derived from HIV-1
reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
RT-1Y immunostimulating peptide

<400> 8
Tyr Ile Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Leu
1 5

<210> 9
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:HIV-gag
peptide, gag (p17) (77-85), p17-WT

<400> 9
 Ser Leu Tyr Asn Thr Val Ala Thr Leu
 1 5

<210> 10
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:Flu matrix
 peptide 58-66, FMP, Flu-MP (58-66)

<400> 10
 Gly Ile Leu Gly Phe Val Phe Thr Leu
 1 5

<210> 11
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region
 immunostimulating peptide

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (1)
 <223> Xaa = any hydrophobic amino acid, preferably Val

<400> 11
 Xaa Leu Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Val
 1 5

<210> 12
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
 alanine substituted peptide 1A

<400> 12
 Ala Ile Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Leu
 1 5

<210> 13
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
alanine substituted peptide 2A

<400> 13
Val Ala Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Leu
1 5

<210> 14
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
alanine substituted peptide 3A

<400> 14
Val Ile Ala Gln Tyr Met Asp Asp Leu
1 5

<210> 15
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
alanine substituted peptide 4A

<400> 15
Val Ile Tyr Ala Tyr Met Asp Asp Leu
1 5

<210> 16
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
alanine substituted peptide 5A

<400> 16
Val Ile Tyr Gln Ala Met Asp Asp Leu
1 5

<210> 17
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
alanine substituted peptide 6A

<400> 17
 Val Ile Tyr Gln Tyr Ala Asp Asp Leu
 1 5

<210> 18
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
 alanine substituted peptide 7A

<400> 18
 Val Ile Tyr Gln Tyr Met Ala Asp Leu
 1 5

<210> 19
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
 alanine substituted peptide 8A

<400> 19
 Val Ile Tyr Gln Tyr Met Asp Ala Leu
 1 5

<210> 20
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
 alanine substituted peptide 9A

<400> 20
 Val Ile Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Ala
 1 5

<210> 21
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
 substituted peptide 2L

<400> 21
 Val Leu Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Leu
 1 5

<210> 22
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Description of Artificial Sequence:RT (179-187)-WT
 substituted peptide 9V

 <400> 22
 Val Ile Tyr Gln Tyr Met Asp Asp Val
 1 5

 <210> 23
 <211> 408
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Description of Artificial Sequence:variant of
 synthetic sequence motif derived from HIV-1
 reverse transcriptase (RT) catalytic site region,
 immunostimulating peptide, fusion molecule

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (1)..(200)
 <223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (201)
 <223> Xaa = any hydrophobic amino acid

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (209)..(408)
 <223> Xaa = any amino acid, may be present or absent

 <400> 23
 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 1 5 10 15

 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 20 25 30

 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 35 40 45

 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 50 55 60

 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 65 70 75 80

 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 85 90 95

 Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
 100 105 110

